



Universidad Nacional Mayor de San Marcos

Universidad del Perú. Decana de América

Facultad de Medicina

Unidad de Posgrado

Programa de Segunda Especialización en Medicina Humana

**“Tipo de mutaciones del VIH en pacientes con terapia
antirretroviral en el Hospital Nacional Edgardo
Rebagliati Martins, 2009 - 2012”**

TRABAJO DE INVESTIGACIÓN

Para optar el Título de Especialista en Patología Clínica

AUTOR

Patricia Liliana GARCÍA LÓPEZ

Lima, Perú

2013

**TIPO DE MUTACIONES DEL VIH EN PACIENTES CON TERAPIA
ANTIRRETROVIRAL EN EL HOSPITAL NACIONAL EDGARDO
REBAGLIATI MARTINS. 2009-2012**

I.- RESUMEN

La resistencia limita la efectividad de la terapia antirretroviral. En el HNERM, hay acceso a la terapia anti-retroviral altamente activa, pero no existe información sobre la frecuencia de mutaciones asociadas a resistencia a los medicamentos. **Objetivo:** Determinar las mutaciones más comunes asociadas a resistencia a los medicamentos anti-retrovirales en pacientes infectados con VIH que recibían tratamiento previo en el HNERM. **Materiales y métodos:** estudio retrospectivo de análisis del genotipo de 124 pacientes de 6 a 90 años (74.19 % varones) con terapia antirretroviral. El análisis se realizó utilizando el kit de genotipado TRUGENE HIV-1 y el sistema de secuenciación de ADN OpenGene Trugene HIV-1. **Resultados:** Mediana de carga viral 34 852.5 RNA copias/ml. La frecuencia de la resistencia a los inhibidores de la RT análogos de los nucleósidos (INTR), a los inhibidores no análogos de los nucleósidos RT (INNTR) y a los inhibidores de la proteasa (IP) fue de 43.6 %, 39.64 % y 45.77 %, respectivamente. Las mutaciones más frecuentes encontradas fueron M184V (62.9 %), K103N (33.8 %), V118I (26.6 %), M36I (35.4 %), I93L (33.8 %), y M46I (27.4 %). Durante los cuatro años del estudio, hubo un aumento significativo en la resistencia de los INNTR. **CONCLUSIONES:** Estos datos proporciona información importante sobre la epidemiología de mutaciones de resistencia de la droga y debe ayudar a diseñar nuevas estrategias.

Palabras clave: Antirretrovirales, VIH 1, Nucleósidos.

II.-ABSTRACT/ SUMMARY

Resistance limits the effectiveness of anti-retroviral therapy. In HNERM, there is free access to highly active anti-retroviral therapy, but there is no information about the frequency of mutations associated to drug resistance. **Aim:** To determine the most common mutations associated with resistance to the anti- retroviral drug in patients with HIV who received pre-treatment in HNERM. **Materials and Methods:** Retrospective study of 124 genotype analysis coming from patients aged 6 to 90 years (74.19 % males) with virological failure. The analysis was performed using the kit Trugene HIV-1 and the system of DNA sequencing OpenGene Trugene HIV-1. **Results:** Mean viral load were 34 852.5 RNA copies/ml, respectively. The frequency of resistance to nucleoside RT inhibitors (NRTI), non nucleoside RT inhibitors (NNRTI) and protease inhibitors (PI) was 43.6 %, 39.64 % and 45.77 %, respectively. The most common mutations found were M184V (62.9 %), K103N (33.8 %), V118I (26.6 %), M36I (35.4 %), I93L (33.8 %), y M46I (27.4 %). During the four years of the study, there was a significant increase in NNRTI resistance. **Conclusions:** These data provides important information about the epidemiology of drug resistance mutations and should help to design new strategies.

Key words: Anti-retroviral agents; HIV-1; Nucleosides.